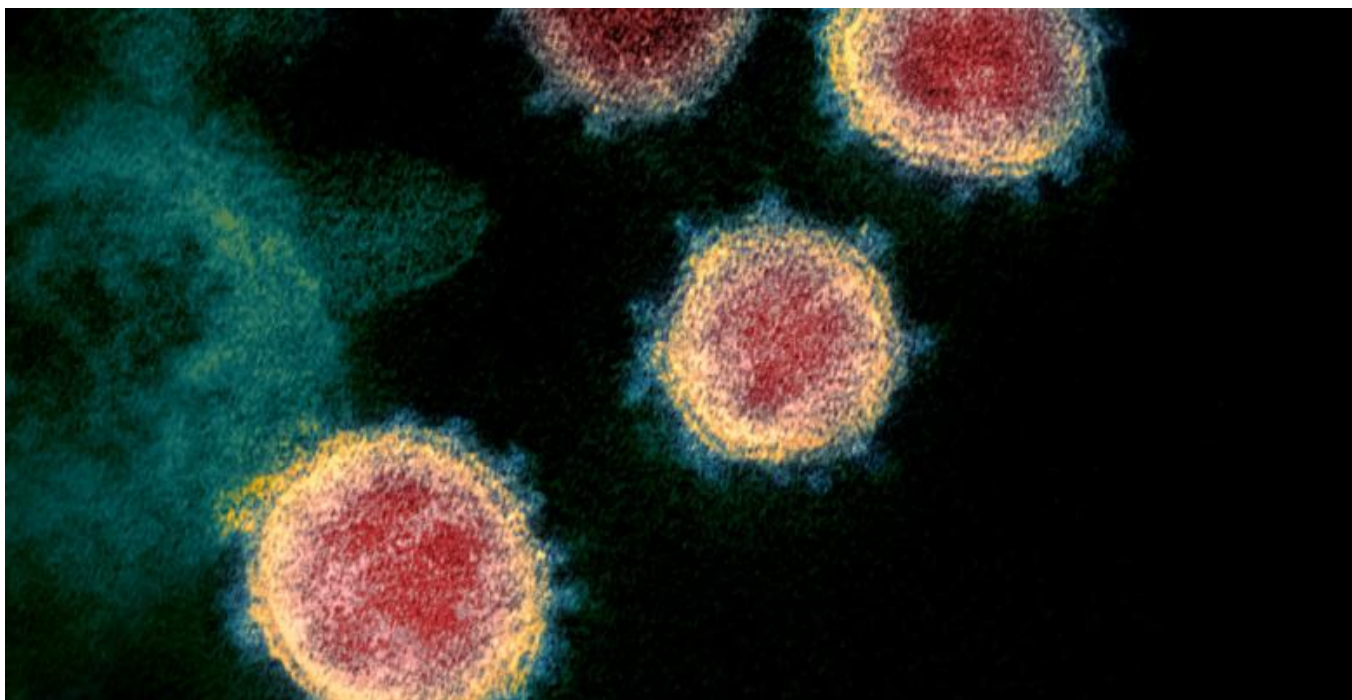

¿Qué son los 'supercontagadores'?

Por: RT
21/05/2020



Entre un tercio y la mitad de los contagios de coronavirus en todo el mundo serían responsabilidad de los llamados "supercontagadores", individuos especialmente proclives a la transmisión del SARS-CoV-2 –y que de hecho la transmiten a un mayor número de personas–, cuya existencia ha quedado probada en un estudio realizado por científicos españoles.

La investigación, desarrollada por la Facultad de Medicina de la Universidad de Santiago de Compostela (USC) y por el Instituto de Investigaciones Sanitarias (IDIS), ha permitido constatar también que España ha sido un caso especial en la propagación de la pandemia, ya que además de las primeras cepas del virus que afectaron a casi toda Europa, al país ibérico llegó también "una cepa asiática que apenas entró en ningún otro país europeo".

Asimismo, los autores de este trabajo han comprobado que la variabilidad genética del coronavirus es la propia de un proceso evolutivo natural, por lo que afirman que "los datos no serían compatibles con las manipulaciones de laboratorio, basadas exclusivamente en 'teorías de conspiración' sin argumentos científicos".

Estas conclusiones han sido posibles gracias al exhaustivo análisis de casi 5.000 genomas de coronavirus, que en términos de código genético representan unos 150 millones de letras. Un comunicado de la USC recoge las palabras del genetista Antonio Salas, uno de los conductores de la investigación, para quien estos hallazgos suponen "un paso clave para comprender el proceso de propagación del virus".

"Teníamos claro que para comprender lo que estaba sucediendo en esta pandemia, primero teníamos que hacer una reconstrucción adecuada del proceso evolutivo que dio origen al virus y sus diversas versiones actuales", expone Salas, que describe esta fase del trabajo como la elaboración de "un árbol filogenético que relaciona todos los genomas de manera precisa", y que constituye "el pilar fundamental en el que se basa casi todo lo demás".

¿Quiénes y cómo son los "supercontagadores"?

Sin duda, el éxito más llamativo de este estudio ha sido la demostración de la existencia y del impacto en la pandemia de "personas con alta sensibilidad para transmitir el virus COVID-19", tal como explican desde la universidad.

La figura del "supercontagador" estaba siendo discutida desde un punto de vista epidemiológico sin que existieran datos concluyentes al respecto, "pero ahora los investigadores han logrado revelar evidencia de su existencia", tal como aclara la nota difundida por la USC.

En una entrevista concedida al diario 'La Voz de Galicia', Salas describe a grandes rasgos el perfil de estas personas, explicando que tienen "una mayor carga viral" pero unos síntomas que "no son lo suficientemente llamativos" o son directamente asintomáticos. Otra característica de estos individuos señalada por el genetista es que "sus tiempos de incubación son muy largos, más de dos semanas, hasta 24 días como apuntan algunos trabajos iniciales". "Durante ese tiempo son un magnífico contagiador", subraya Salas. Además suelen presentar "más secreciones respiratorias o más capacidad para proyectarlas".

El estudio ha revelado igualmente que, en determinados lugares, estos agentes altamente contagiosos dieron lugar a lo que los genetistas llaman "efectos fundadores locales", que terminan traducándose en brotes epidémicos de alcance variable a nivel local o incluso nacional.

Salas se ha mostrado convencido de que los hallazgos de esta investigación ayudarán a "tratar de predecir y prevenir futuros brotes y pandemias, ya sea de coronavirus u otros patógenos con un potencial igualmente letal o incluso mayor".
